

時間	A会場	B会場	C会場	D会場
08:00				
09:00				
10:00				
11:00				
12:00				
13:00	開場・受付開始 13:00			
14:00				
15:00				
16:00				
17:00				
18:00				
19:00				
20:00				

14:00-15:30	アカデミックセッション	P9
A会場	1 血液核酸マーカー分科会	
C会場	2 医療の先端を支える大規模シーケンシング	
14:00-14:45	チュートリアルセッション	P23
B会場	1 NGS現場の会 [NGS解析の基礎とゲノムコホート研究における血液検体のオミックス解析への応用]	
15:00-15:45	チュートリアルセッション	P23
B会場	2 NGS現場の会 [公共NGSデータベース～登録と利用～]	
14:00-15:40	ハンズオンセッション	P24
D会場	1 インテル株式会社 [インテル Xeon Phi コプロセッサ体験&最適化のヒントをご紹介します]	
16:00-16:45	スポンサードセッション	P24
A会場	1 タカラバイオ株式会社 [シングルセルRNA-seqの表と裏]	
C会場	2 トミーデジタルバイオロジー株式会社 [PacBioシーケンサーがライフサイエンスに与えた衝撃!]	
16:00-17:40	ハンズオンセッション	P24
D会場	2 株式会社次世代生命科学研究所 [RNA-seqからのプロテオーム、トランスクリプトーム解析システムTRAPROのご紹介]	
16:00-16:45	チュートリアルセッション	P23
B会場	3 株式会社キアゲン [Liquid BiopsyによるNGSでの臨床研究への第一歩]	
17:00-17:45	スポンサードセッション	P24
A会場	3 フリューダ임株式会社 [日本の生命科学はどんなっちゃうのか?]	
C会場	4 ライフテクノロジーズジャパン株式会社 [次世代シーケンサの新たな可能性 AmpliSeq Transcriptome Human Gene Expression kitを用いた画期的な遺伝子発現解析法]	
17:00-17:45	チュートリアルセッション	P23
B会場	4 株式会社キアゲン [NGSデータから結果を読み解く]	

時間	A会場	B会場	C会場	ポスター・ブース 展示会場	
		開場・受付開始 7:30			8:00-8:45 モーニング教育セッション P26
08:00		モーニング教育 セッション1 8:00-8:45	モーニング教育 セッション2 8:00-8:45	ポスター張付 8:00-9:00	B会場 1 株式会社キアゲン 「ゼロから始めた周産期マイクロバイオーム研究」
09:00	大会長講演 9:00-9:45 基調講演 1 9:50-10:35			ポスター展示 9:00-20:30	C会場 2 ジーンデータ株式会社 「NGSデータ解析の標準化とバリデーション対応を可能にするEnterprise Solution - Genedata Profiler™」
10:00					9:00-10:35 大会長講演・基調講演 P7
11:00	スポンサード セッション5 10:45-11:30	スポンサード セッション6 10:45-11:30	スポンサード セッション7 10:45-11:30		A会場 大会長講演 岩崎渉 (東京大学) 「NGS現場の会が目指すもの」
12:00	ランチョン セミナー 1 12:00-13:00	ランチョン セミナー 2 12:00-13:00	ランチョン セミナー 3 12:00-13:00		A会場 基調講演1 古澤 力 (理研 QBIC) 「ゲノム解析の先に見えるもの： 大腸菌進化実験の表現型・遺伝子型解析」
13:00					10:45-11:30 スポンサーセッション P25
14:00	アカデミック セッション 3 13:15-14:45	アカデミック セッション 4 13:15-14:45	アカデミック セッション 5 13:15-14:45		A会場 5 ゼロ・クラフト株式会社 「Apache Sparkではじめよう NGSの並列計算」
15:00	アカデミック セッション 6 15:00-16:30	アカデミック セッション 7 15:00-16:30	アカデミック セッション 8 15:00-16:30		B会場 6 日本ジェネティクス株式会社 「1: KAPA HyperPlus Kitによる「PCRフリー、断片化装置フリー、磁性ビーズ (ほぼ) フリー」ライブラリーの作製実例 2: PacBio Iso-Seq用ライブラリー作製への自動DNA断片ゲル抽出装置 SageELFの実用例」
16:00					C会場 7 株式会社ワールドフュージョン 「RNAseq解析結果からの化合物情報を使った標的遺伝子探索法とメタゲノム解析ツール紹介」
17:00				ミキサー開始 16:45	12:00-13:00 ランチョンセミナー P7
18:00				ポスター セッション 17:15-18:15	A会場 1 アジレント・テクノロジー株式会社 「今すぐ役立つアジレント新ソリューション： 分子バーコードとNGSコピー数解析」
19:00					B会場 2 タカラバイオ株式会社 「1: Novel methods for RNA and DNA-Seq analysis using SMART Technology 2: DNA SMART CHIP-Seq Kitを用いたCHIP-Seq ライブラリー作製の評価」
20:00				ミキサー終了 20:30	C会場 3 三菱スペース・ソフトウェア株式会社 「幹細胞生物学・再生医療におけるNGSの活用。米国の現場から」
					13:15-14:45 アカデミックセッション P11
					A会場 3 非モデル生物研究最前線
					B会場 4 メタアプローチ新天地: メタゲノミクス・メタボロゲノミクス・メタエコゲノミクス
					C会場 5 JSBIセッション NGSの大衆化がもたらす期待と課題
					15:00-16:30 アカデミックセッション P14
					A会場 6 ヒトの多様性に挑む ーコホートから医療へー
					B会場 7 NGSによるハイスループット分子生物学の新展開
					C会場 8 RNAとNGSの交差点
					17:15-18:15 ポスターセッション P27
					ポスター 展示会場 17:15-17:45 コアタイム・ポスター番号奇数 17:45-18:15 コアタイム・ポスター番号偶数

時間	A会場	B会場	C会場	ポスター・ブース 展示会場
	開場・受付開始 7:30			
08:00		モーニング教育 セッション3 8:00-8:45	モーニング教育 セッション4 8:00-8:45	
09:00	アカデミック セッション 9 9:00-10:30	アカデミック セッション 10 9:00-10:30	アカデミック セッション 11 9:00-10:30	ポスター展示 9:00-14:30
10:00				
11:00				ポスター セッション 10:45-11:45
12:00				
13:00	ランチョン セミナー 4 12:30-13:30	ランチョン セミナー 5 12:30-13:30	ランチョン セミナー 6 12:30-13:30	
14:00	アカデミック セッション 12 13:45-15:15	アカデミック セッション 13 13:45-15:15	アカデミック セッション 14 13:45-15:15	
15:00				
16:00	基調講演 2 15:30-16:15			
	閉会・写真撮影 16:30-17:00			
17:00				ポスター撤去 17:00-17:30
18:00				
19:00				
20:00				

8:00-8:45	モーニング教育セッション	P26
B会場	3 株式会社ジナリスオミックス 「Windows/Mac環境で始めるNGSデータ解析入門 —無料のツールで解析環境を作ろう!」	
C会場	4 日本SGI株式会社 「Data-driven Science: SGI for Genomics Analysis」	
9:00-10:30	アカデミックセッション	P17
A会場	9 エピゲノムを読み解く ~配列とシグナルと~	
B会場	10 海と大地とNGS: 農林水産分野の新展開	
C会場	11 NGSが変える文化人類学・考古学の新展開	
12:30-13:30	ランチョンセミナー	P8
A会場	4 イルミナ株式会社 「ライブラリー調製とデータ解析を攻略して、 NGSを使いこなす!」	
B会場	5 アメリエフ株式会社 「クリニカルシーケンス「現場」の取り組みと今後の展開」	
C会場	6 アズワン株式会社 「IrysマッピングとNGSによるゲノム全体像解析の試み」	
10:45-11:45	ポスターセッション	P27
ポスター 展示会場	10:45-11:15 コアタイム・ポスター番号奇数 11:15-11:45 コアタイム・ポスター番号偶数	
13:45-15:15	アカデミックセッション	P20
A会場	12 お花見メタゲノム	
B会場	13 1細胞・微量シーケンスの未来を支える 次世代の実験・データ解析技術	
C会場	14 JSBIセッション 新世代NGSデータとそれを解釈する解析技術	
15:30-16:15	基調講演	P7
A会場	基調講演2 中川 英刀 (理研 IMS) 「がんゲノムシーケンス解析の将来と ゲノム医療への展開」	